

### บทที่ 3

#### อุปกรณ์และวิธีการ

##### 1. การศึกษาโรค พื้นที่การปลูก และการใช้สารเคมีในสวนกุหลาบ

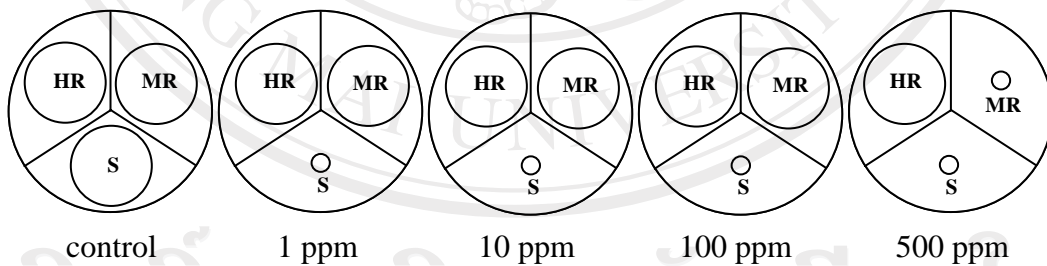
ศึกษาโรค ที่พบในพื้นที่ปลูกกุหลาบ และการใช้สารเคมี จากสวนกุหลาบบริเวณพื้นที่ราบ ต.ร้องวัวแดง อ.สันกำแพง และ อ.เมือง (สวนสาธารณะบวกดาค) จ.เชียงใหม่ และบริเวณพื้นที่สูง ต.โป่งแยง อ.แม่ริม จ.เชียงใหม่

##### 2. การศึกษาลักษณะอาการและแยกของเชื้อสาเหตุโรคแอนแทรกโนสของกุหลาบ

ศึกษากุหลาบที่แสดงอาการ โรคแอนแทรกโนสที่พบจากแปลงปลูกกุหลาบบริเวณพื้นที่ราบ ต.ร้องวัวแดง อ.สันกำแพง และ อ.เมือง (สวนสาธารณะบวกดาค) จ.เชียงใหม่ และพื้นที่สูง ต.โป่งแยง อ.แม่ริม จ.เชียงใหม่ โดยเก็บตัวอย่างโรคมารวบรวมที่ห้องปฏิบัติการ จากนั้นนำมาตรวจหาเส้นใยและลักษณะสปอร์ของเชื้อราที่บริเวณแผลด้วยวิธี Free hand sectioning technique และทำการแยกเชื้อบริสุทธิ์โดยตัดเอาส่วนของเนื้อเยื่อบริเวณรอยต่อระหว่างส่วนที่เป็นโรคและส่วนปกติขนาดประมาณ 0.5 x 0.5 เซนติเมตร มาฆ่าเชื้อที่ผิวใบโดยแช่ใน clorox 1% นาน 3-5 นาที จากนั้นใช้เข็มเย็บเชื้อ ซึ่งผ่านการฆ่าเชื้อแล้วย้ายชิ้นใบกุหลาบไปแช่ในน้ำกลั่นนิ่งฆ่าเชื้อแล้ว 1-2 นาที ย้ายชิ้นพืชไปวางบนแผ่นกระดาษกรองเบอร์ 1 (Whatman No.1) ที่ผ่านการนิ่งฆ่าเชื้อแล้วเพื่อซับชิ้นกุหลาบให้แห้ง ย้ายชิ้นพืชที่แห้งดีแล้วมาวางบนอาหาร Potato Dextrose Agar (PDA) ซึ่งผสมสารปฏิชีวนะ Ampicilin (PALD) 200 mg/L โดยวางจานละ 1 แผลกำหนดให้เป็น 1 ไอโซเลท (isolate) บ่มเชื้อไว้ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 3 วัน พบว่ามีเส้นใยของเชื้อรางอกออกจากชิ้นพืชบนอาหาร PDA บันทึกการเปลี่ยนแปลง และใช้เข็มเย็บปลายเส้นใยนำมาตรวจหาเชื้อรา โดยดูลักษณะต่างๆ ของเชื้อราภายใต้กล้องจุลทรรศน์ (compound microscope) เพื่อวิเคราะห์ชนิดของเชื้อสาเหตุ จากนั้นใช้เข็ม เย็บปลายเส้นใยบริเวณ โคลนินของเชื้อที่แยกได้จากชิ้นส่วนของพืช นำไปเลี้ยงบนอาหาร PDA ที่อุณหภูมิห้อง ประมาณ 7-14 วัน จนกระทั่งเชื้อราสร้าง mass จึงทำการแยกให้ได้สปอร์เดี่ยว (single spore isolation) โดยใช้ loop แตะที่ mass แล้วทำการ streak plate ลงบนอาหาร Quarter Potato Dextrose Agar (¼ PDA) เมื่อเส้นใยเจริญจึงตัดปลายเส้นใยมาเลี้ยงบนอาหาร PDA อีกครั้ง เพื่อทำการเก็บเชื้อบน slant ในหลอดทดลอง และนำไปใช้เป็น stock สำหรับการศึกษาด้านต่างๆ ต่อไป

### 3. การทดสอบความสามารถของสารคาร์เบนดาซิมในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรกโนส กุหลาบ

นำเชื้อราที่แยกได้จากข้อ 2. ทุกไอโซเลท จำนวน 93 ไอโซเลท มาทดสอบความสามารถในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรกโนสของกุหลาบ กับสารคาร์เบนดาซิม (carbendazim) ที่ระดับความเข้มข้น 1, 10, 100 และ 500 ppm อัตราแนะนำคือ 500 ppm โดยเตรียมสารป้องกันกำจัดเชื้อราใส่ในขวดรูปชมพู่ (flask) ที่บรรจุน้ำกลั่นนิ่งมาเชื้อตามปริมาณที่ต้องการ จากนั้นนำสารป้องกันกำจัดเชื้อราแต่ละชนิด (ภาคผนวก) ไปผสมกับอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA ปริมาตร 100 มิลลิลิตร นำไปเทในจานอาหารเลี้ยงเชื้อ (Petri dish) ให้ได้ 6 จาน ทำจนครบทุกความเข้มข้น ใช้ cork borer ซึ่งมีขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 0.5 เซนติเมตร เจาะเชื้อราที่เจริญบนจานอาหารเลี้ยงเชื้อที่อายุ 7 วัน นำไปวางบนจานอาหารที่ผสมสารป้องกันกำจัดเชื้อราที่เตรียมไว้ โดยวางเชื้อรา 4 จุด จุดละ 1 ไอโซเลท บนจานอาหารเลี้ยงเชื้อ 1 จาน และกำหนดให้ เชื้อราที่สามารถเจริญได้ที่ระดับความเข้มข้นมากกว่า 100 ppm คือเชื้อราที่มีความต้านทานสูง (highly resistance; HR) ส่วนเชื้อราที่สามารถเจริญได้ที่ระดับความเข้มข้นมากกว่า 1 แต่น้อยกว่าหรือเท่ากับ 100 ppm คือเชื้อราที่มีความต้านทานในระดับปานกลาง (moderately resistance; MR) และเชื้อราที่เจริญได้ที่ระดับความเข้มข้นน้อยกว่า 1 ppm คือเชื้อราที่อ่อนแอต่อสารเคมี (sensitive; S) (ภาพ 1) ทุกขั้นตอนทำภายใต้สภาพปลอดเชื้อ สังเกตการเจริญของเส้นใยและวัดขนาดเส้นผ่านศูนย์กลางโคโลนีเชื้อที่อายุ 3 วัน



ภาพ 1 การทดสอบการต้านทานของเชื้อราต่อสารป้องกันกำจัดเชื้อราโรคพืชคาร์เบนดาซิม

- HR = Highly resistance isolate (เจริญได้ที่ความเข้มข้น > 100 ppm)  
 MR = Moderately resistance isolate (เจริญได้ที่ความเข้มข้นระหว่าง 1-100 ppm)  
 S = Sensitive isolate (เจริญได้ที่ความเข้มข้น < 1 ppm)

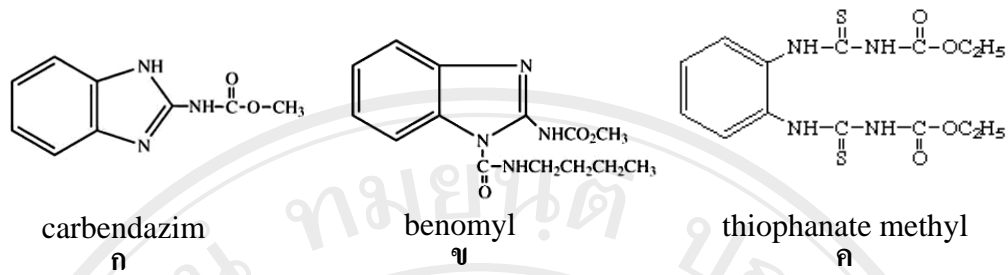
#### 4. การศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ

ทำการคัดเลือกตัวแทนของเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ จาก อ.สันกำแพง อ.แม่ริม และ อ.เมือง จ.เชียงใหม่ ที่เก็บรวบรวมไว้ในข้อ 2. จำนวน 12 ไอโซเลท มาศึกษาเปรียบเทียบความสามารถของสารเคมีในกลุ่มอื่นๆ เพื่อใช้ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ โดยเริ่มจากการศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา การเจริญของเชื้อราที่อายุ 3, 5 และ 7 วัน บนอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA โดยทำการวัดขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางของโคโลนีในลักษณะแกน X และ Y แล้วจึงหาค่าเฉลี่ยการเจริญเติบโต ตรวจสอบลักษณะของสี การสร้างเส้นใย และทำการบันทึกภาพลักษณะของโคโลนีที่อายุ 7 วัน จากนั้นทำการศึกษาลักษณะของสปอร์และแอฟเพรสซอริียมโดยการเลี้ยงราแบบ slide culture บนอาหาร ¼ PDA ที่อายุ 7 วัน

#### 5. การทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มต่างๆ ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ

##### 5.1 การทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มเบนซิมิดาโซลในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ

ทำการทดสอบความสามารถของสารกลุ่มเบนซิมิดาโซล (benzimidazole) ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ โดยนำตัวแทนของเชื้อราที่ได้ทำการคัดเลือกไว้แล้วจากข้อ 4. มาทดสอบกับสารกลุ่มเบนซิมิดาโซล ได้แก่ สารคาร์เบนดาซิม (carbendazim) สารบีโนมิล (benomyl) และสาร ไทโอฟานีต เมทิล (thiophanate methyl) (ภาพ 2) โดยสารกลุ่มเบนซิมิดาโซล จัดอยู่ในกลุ่มของสารป้องกันกำจัดเชื้อราชนิดดูดซึม (systemic fungicide) เป็นสารป้องกันกำจัดเชื้อราที่มีฤทธิ์ยับยั้งเฉพาะจุด ซึ่งจะไปรบกวนขบวนการแบ่งเซลล์ของเชื้อรา และได้มีรายงานการเกิดความเสียหายสูงสำหรับการเกิดความต้านทานและการเกิดความต้านทานข้ามในสารเคมีกลุ่มนี้ (Damicone, <http://www.osufacts.okstate.edu>) การทดสอบสารเคมีที่ระดับความเข้มข้น 1, 10, 100 และ 500 ppm อัตราแนะนำคือ 500 ppm โดยเตรียมสารป้องกันกำจัดเชื้อราใส่ในขวดรูปชมพู่ (flask) ที่บรรจุน้ำกลั่นนิ่งมาเชื้อตามปริมาณที่ต้องการ จากนั้นนำสารป้องกันกำจัดเชื้อราแต่ละชนิดไปผสมกับอาหารเลี้ยงเชื้อ PDA ปริมาตร 100 มิลลิลิตร นำไปเทในจานอาหารเลี้ยงเชื้อ (Petri dish) ที่อบฆ่าเชื้อแล้วให้ได้ 6 จาน ทำจนครบทุกความเข้มข้น ใช้ cork borer ซึ่งมีขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 0.5 เซนติเมตร เจาะเชื้อราที่เจริญบนจานอาหารเลี้ยงเชื้อที่อายุ 7 วัน นำไปวางบนจานอาหารที่ผสมสารป้องกันกำจัดเชื้อราที่เตรียมไว้ โดยวางเชื้อรา 4 จุด จุดละ 1 ไอโซเลท บนจานอาหารเลี้ยงเชื้อ 1 จาน (จำนวน 3 ซ้ำ) ทุกขั้นตอนทำภายใต้สภาพปลอดเชื้อ สังเกตและเปรียบเทียบการเจริญของเส้นใยและวัดขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางโคโลนีเชื้อที่อายุ 3 วัน

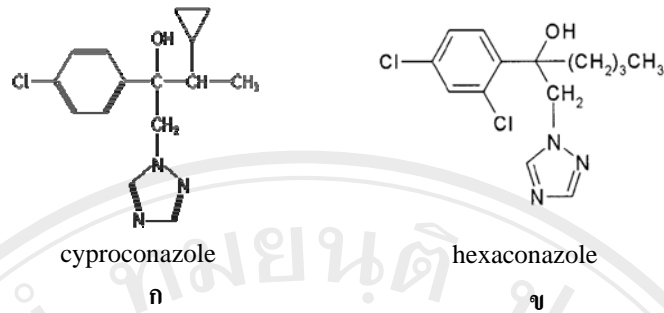


ภาพ 2 สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราในกลุ่มเบนซิมิดาโซล

- ก. สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราคาร์เบนดาซิม  
 ข. สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราบีโนมิล  
 ค. สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราไทโอฟานาต เมทิล

## 5.2 การทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มไตรอะโซลในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ

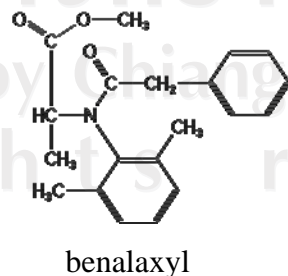
ทำการทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มไตรอะโซล (triazole) ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ โดยนำตัวแทนของเชื้อราจากข้อ 4. มาทดสอบกับสารไซโปรโคนาโซล (cyproconazole) (ภาพ 3ก) และสารเฮกซะโคนาโซล (hexaconazole) (ภาพ 3ข) โดยสารกลุ่มไตรอะโซลจัดอยู่ในกลุ่มของสารป้องกันกำจัดเชื้อราชนิดดูดซึม (systemic fungicide) เป็นสารป้องกันกำจัดเชื้อราที่มีฤทธิ์ยับยั้งเฉพาะจุดซึ่งจะไปทำลายการสังเคราะห์ sterols ที่เป็นส่วนประกอบที่จำเป็นสำหรับการเจริญของเชื้อรา และมีรายงานความเสี่ยงปานกลางในการเกิดความต้านทานและการเกิดการต้านทานข้ามในสารกลุ่มนี้ (Damicone, <http://www.osufacts.okstate.edu>) ทดสอบสารไซโปรโคนาโซล ที่ระดับความเข้มข้น 0.01, 0.1, 1, 10 และ 25 (อัตราแนะนำ 25 ppm) และเฮกซะโคนาโซล ที่ระดับความเข้มข้น 0.1, 1, 10, 25 และ 50 ppm (อัตราแนะนำ 50 ppm) ทุกขั้นตอนทำภายใต้สภาพปลอดเชื้อ สังเกตและเปรียบเทียบการเจริญของเส้นใยและวัดขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางโคโลนีเชื้อที่อายุ 3 วัน



ภาพ 3 สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราในกลุ่มไตรอะโซล  
 ก. สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราไซโปรโคนาโซล  
 ข. สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราเฮกซะโคนาโซล

### 5.3 การทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มอะคริลาไมด์ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ

ทำการทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มอะคริลาไมด์ (acrylamind) ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ โดยนำตัวแทนของเชื้อราจากข้อ 4. มาทดสอบกับสารกลุ่มอะคริลาไมด์ ได้แก่สารเบนาแล็กซิล (benalaxyl) (ภาพ 4) ซึ่งสารกลุ่มนี้จัดอยู่ในกลุ่มของสารป้องกันกำจัดเชื้อราชนิดดูดซึม (systemic fungicide) โดยสารเคมีจะมีฤทธิ์ยับยั้งการเจริญของเชื้อรา โดยจะไปรบกวนขบวนการสังเคราะห์ RNA ในเชื้อรา ซึ่งมีรายงานพบความเสี่ยงสูงในการเกิดความต้านทานและพบการเกิดการต้านทานข้ามในสารเคมีกลุ่มนี้ (Damicone, <http://www.osufacts.okstate.edu>) โดยได้ทำการทดสอบสารเบนาแล็กซิลที่ระดับความเข้มข้น 1, 10, 100, 250 และ 500 ppm (อัตราแนะนำ 350 ppm) ทุกขั้นตอนทำภายใต้สภาพปลอดเชื้อ สังเกตและเปรียบเทียบการเจริญของเส้นใยและวัดขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางโคโลนีเชื้อที่อายุ 3 วัน

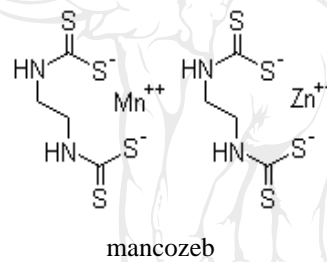


ภาพ 4 สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราเบนาแล็กซิล



#### 5.4 การทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มไดไทโอคาร์บาเมตในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ

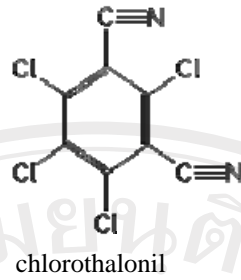
ทำการทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มไดไทโอคาร์บาเมต (dithiocarbamate) ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ โดยนำตัวแทนของเชื้อราจากข้อ 4. มาทดสอบกับสารกลุ่มไดไทโอคาร์บาเมต ได้แก่สารแมนโคเซ็บ (mancozeb) (ภาพ 5) ซึ่งสารกลุ่มนี้จัดอยู่ในกลุ่มของสารป้องกันกำจัดเชื้อราชนิดสัมผัส (contact fungicide) โดยสารเคมีจะมีฤทธิ์ยับยั้งหลายตำแหน่ง ซึ่งไม่พบรายงานความเสี่ยงของการต้านทานและไม่พบรายงานการเกิดความต้านทานข้ามกับสารเคมีกลุ่มนี้ (Damicone, <http://www.osufacts.okstate.edu>) โดยทำการทดสอบสารแมนโคเซ็บ ที่ระดับความเข้มข้น 10, 100, 500, 1000 และ 2000 ppm (อัตราแนะนำ 2000 ppm) ทุกขั้นตอนทำภายใต้สภาพปลอดเชื้อ สังเกตและเปรียบเทียบการเจริญของเส้นใยและวัดขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางโคโลนีเชื้อที่อายุ 3 วัน



ภาพ 5 สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราแมนโคเซ็บ

#### 5.5 การทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มฟาลอนไนไตร์ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ

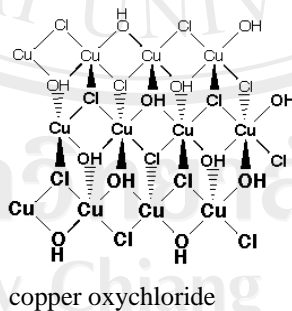
ทำการทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มฟาลอนไนไตร์ (phthalonitrile) ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรคโนสกุหลาบ โดยนำตัวแทนของเชื้อราจากข้อ 4. มาทดสอบกับสารกลุ่มฟาลอนไนไตร์ ได้แก่สารคลอโรฮาโลนิล (chlorohalonil) (ภาพ 6) ซึ่งสารกลุ่มนี้จัดอยู่ในกลุ่มของสารป้องกันกำจัดเชื้อราชนิดสัมผัส (contact fungicide) โดยสารเคมีจะมีฤทธิ์ยับยั้งหลายตำแหน่ง ซึ่งไม่พบรายงานความเสี่ยงของการต้านทานและการเกิดความต้านทานข้ามกับสารเคมีกลุ่มนี้เช่นกัน (Damicone, <http://www.osufacts.okstate.edu>) โดยทำการทดสอบสารคลอโรฮาโลนิล ที่ระดับความเข้มข้น 10, 50, 250, 500 และ 1000 ppm (อัตราแนะนำ 750 ppm) ทุกขั้นตอนทำภายใต้สภาพปลอดเชื้อ สังเกตและเปรียบเทียบการเจริญของเส้นใยและวัดขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางโคโลนีเชื้อที่อายุ 3 วัน



ภาพ 6 สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราคลอโรธาโลนิล

### 5.6 การทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มอินออร์แกนิกในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรกโนสกุหลาบ

ทำการทดสอบความสามารถของสารเคมีกลุ่มอินออร์แกนิก (inorganic) ในการควบคุมเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรกโนสกุหลาบ โดยนำตัวแทนของเชื้อราจากข้อ 4. มาทดสอบกับสารกลุ่มอินออร์แกนิก ได้แก่สารคอปเปอร์ ออกซีคลอไรด์ (copper oxychloride) (ภาพ 7) ซึ่งสารกลุ่มนี้จัดอยู่ในกลุ่มของสารป้องกันกำจัดเชื้อราชนิดสัมผัส (contact fungicide) โดยสารเคมีจะมีฤทธิ์ยับยั้งหลายตำแหน่งและไม่พบรายงานความเสี่ยงของการต้านทานและการเกิดการต้านทานข้ามกับสารกลุ่มนี้ (Damicone, <http://www.osufacts.okstate.edu>) โดยได้ทดสอบสารที่ระดับความเข้มข้น 10, 100, 1000, 2000 และ 3500 ppm (อัตราแนะนำ 3400 ppm) ทุกขั้นตอนทำภายใต้สภาพปลอดเชื้อ สังเกตและเปรียบเทียบการเจริญของเส้นใยและวัดขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางโคโลนีเชื้อที่อายุ 3 วัน



ภาพ 7 สูตรโครงสร้างสารป้องกันกำจัดเชื้อราคอปเปอร์ ออกซีคลอไรด์

## 6. การศึกษาการเปลี่ยนแปลงระดับยีนของเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรกโนสกุหลาบที่มีผลต่อการต้านทานสารป้องกันกำจัดเชื้อราเบนซิมิดาโซล

นำเชื้อราสาเหตุโรคแอนแทรกโนสกุหลาบที่แสดงการต้านทานและอ่อนแอต่อสารป้องกันกำจัดเชื้อรากลุ่มเบนซิมิดาโซล ซึ่งได้แก่ คาร์เบนดาซิม บีโนมิล และไทโอฟานาต เมทิล มาแยกสกัดดีเอ็นเอเพื่อศึกษาลักษณะพันธุกรรมของเชื้อราที่มีผลต่อการต้านทานสารเคมี

### 6.1 การเตรียมดีเอ็นเอจากเส้นใยของเชื้อรา

#### 6.1.1 การเตรียมเส้นใยของเชื้อรา

เลี้ยงเชื้อราที่แยกได้บริสุทธิ์ด้วยวิธี single spore isolation ในจานอาหารเลี้ยงเชื้อ (Petri disc) ที่มีอาหารเลี้ยงเชื้อ MEB (malt extract broth) เป็นเวลา 5-7 วัน จากนั้นเก็บรวบรวมเส้นใยเชื้อราโดยตัดเอาเส้นใยของเชื้อรามาชับให้แห้งบนกระดาษทิชชู (tissue) ที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้วใช้ปากคีบ (forcep) ที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้วเก็บรวบรวมเส้นใยเชื้อราใส่ในกระดาษ foil ที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้ว เมื่อได้เส้นใยมากพอสามารถนำมาสกัดดีเอ็นเอได้ทันที หรืออาจเก็บเส้นใยที่ได้ไว้ในตู้แช่แข็งอุณหภูมิประมาณ -20 องศาเซลเซียส ได้นานจนกว่าจะนำมาสกัดดีเอ็นเอในขั้นต่อไป

#### 6.1.2 การสกัดดีเอ็นเอ

##### 6.1.2.1 การสกัดดีเอ็นเอวิธีที่ 1 ที่ดัดแปลงมาจากวิธีของพัชรา (2543)

ชั่งน้ำหนักของเส้นใยประมาณ 1.0 กรัม และนำไปใส่ในโถงที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้ว จากนั้นนำไปแช่แข็งที่อุณหภูมิ -80 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10-15 นาที บดเส้นใยให้ละเอียด เติม extraction buffer (50 mM Tris-HCl, 850 mM NaCl (pH 8.0), 100 mM EDTA, 1% SDS) (ภาคผนวก) ปริมาตร 1.5 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน และถ่ายใส่หลอด centrifuge นำไปปั่นไว้ที่อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที จากนั้นนำไปหมุนเหวี่ยงที่ 14,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที ดูดของเหลวส่วนบน (supernatant) ใส่ลงในหลอดใหม่ เติม phenol : chloroform : isoamyl alcohol (25 : 24 : 1) ปริมาตร 1:1 ส่วน ผสมให้เข้ากัน จากนั้นนำไปหมุนเหวี่ยงที่ 14,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที ดูดของเหลวส่วนบนใส่หลอดใหม่ extract ด้วย chloroform : isoamyl alcohol (24 : 1) ปริมาตร 1:1 ส่วน และนำไปหมุนเหวี่ยงที่ 14,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที (ขั้นตอนนี้ทำซ้ำ 2 ครั้ง) จากนั้นดูดของเหลวใสส่วนบนใส่หลอดใหม่ และนำไปตกตะกอนดีเอ็นเอด้วยการเติม ice-cold absolute alcohol (-20 องศาเซลเซียส) ปริมาตร 2 เท่าของตัวอย่าง แล้วนำไปเก็บไว้ที่ -20 องศาเซลเซียส เป็นเวลาอย่างน้อย 30 นาที และนำมาหมุนเหวี่ยงที่ 14,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที เทของเหลวส่วนบนทิ้ง และล้างตะกอนดีเอ็นเอโดยการเติม 70% ETOH ปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร และนำไปหมุนเหวี่ยงที่ 14,000 รอบต่อนาที เวลา 2 นาที (ขั้นตอนนี้ทำซ้ำ 2 ครั้ง)



เทของเหลวส่วนบนทิ้งและฝั่งตะกอนดีเอ็นเอให้แห้งโดยการคว่ำหลอด centrifuge บนกระดาษทิชชู (tissue) เมื่อแห้งดีแล้วนำตะกอนดีเอ็นเอไปละลายใน TE buffer (4 องศาเซลเซียส) ปริมาตร 50 ไมโครลิตร และนำไปเก็บไว้ที่ -20 องศาเซลเซียส เพื่อรอการตรวจสอบคุณภาพในขั้นต่อไป

#### 6.1.2.2 การสกัดดีเอ็นเอวิธีที่ 2 ที่ดัดแปลงมาจากวิธีของศรัญญา (2544)

ชั่งน้ำหนักของเส้นใยเชื้อราประมาณ 1.0 กรัม และนำไปใส่ใน โกร่งที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้ว จากนั้นนำไปแช่แข็งที่อุณหภูมิ -80 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10-15 นาที บดเส้นใยให้ละเอียด เติม buffer 2X CTAB (1.4 M NaCl, 100 mM Tris-HCl, 20 mM EDTA, pH 8.0) (ภาคผนวก) ปริมาตร 1.5 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันและถ่ายใส่หลอด centrifuge นำไปปั่นไว้ที่อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส เวลา 30 นาที นำไปหมุนเหวี่ยงที่ ความเร็ว 10,000 รอบต่อนาที เวลา 10 นาที ดูดของเหลวส่วนบน (supernatant) ใส่หลอดใหม่ เติม chloroform/isoamyl alcohol (24:1) ปริมาตร 1:1 ส่วน ผสมให้เข้ากัน และนำไปหมุนเหวี่ยงที่ความเร็ว 10,000 รอบต่อนาที เวลา 10 นาที ดูดของเหลวส่วนบน (supernatant) ใส่หลอดใหม่ เติม 10% CTAB buffer ปริมาตร 1:1 ส่วน ผสมให้เข้ากันแล้วนำไปอุ่นที่อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส เวลา 10 นาที นำไปหมุนเหวี่ยงที่ความเร็ว 10,000 รอบต่อนาที เวลา 10 นาที ดูดของเหลวส่วนบน (supernatant) ใส่หลอดใหม่ เติม chloroform/isoamyl alcohol (24:1) ปริมาตร 1:1 ส่วน ผสมให้เข้ากันและนำไปหมุนเหวี่ยงที่ ความเร็ว 10,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที ดูดของเหลวส่วนบนใส่หลอดใหม่ จากนั้นทำการ ตกตะกอนดีเอ็นเอด้วย isopropanal (อุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส) ปริมาตร 2 เท่า และนำไปหมุนเหวี่ยงที่ความเร็ว 10,000 รอบต่อนาที เวลา 15 นาที เทของเหลวส่วนบนทิ้ง และเติม 70% ETOH (อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส) ปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร เพื่อล้างตะกอนดีเอ็นเอ และนำไปหมุนเหวี่ยงที่ ความเร็ว 10,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 2 นาที จากนั้นเทของเหลวส่วนบนทิ้ง และฝั่งตะกอนดีเอ็นเอ ให้แห้งโดยการคว่ำหลอด centrifuge บนกระดาษทิชชู (tissue) เมื่อแห้งดีแล้วนำตะกอนดีเอ็นเอ ไปละลายใน high salt TE buffer (4 องศาเซลเซียส) ปริมาตร 50 ไมโครลิตร และนำไปเก็บไว้ที่ อุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส เพื่อรอการตรวจสอบในขั้นต่อไป

#### 6.1.3 การตรวจสอบคุณภาพและปริมาณดีเอ็นเอด้วยวิธี agarose gel

##### electrophoresis

เตรียม agarose gel 1% โดยชั่ง agarose 0.3 กรัม ละลายให้เข้ากันกับ 1X TBE buffer (tris borate buffer) 30 มิลลิลิตร ลงในขวดที่เตรียมไว้ จากนั้นนำไปหลอมให้เข้ากันใน ไมโครเวฟ หลังจากนั้นรอให้เจล (gel) อุ่นพอมือจับได้ แล้วจึงเทเจลลงในถาดเจล (gel tray) ที่เตรียมไว้ เสียบหวี (comb) ที่มีจำนวนช่องตามต้องการลงไปในเจล เพื่อให้เกิดเป็นหลุมเล็ก (well)

รอนเจลแข็งตัวแล้วจึงดึงหัวออกอย่างระมัดระวัง จากนั้นนำเจลที่ได้วางลงใน electrophoresis gel tank และเท 1X TBE buffer ให้ท่วมแผ่นเจล ผสม loading buffer 1 ไมโครลิตร กับสารละลาย ดีเอ็นเอตัวอย่าง 3 ไมโครลิตร ให้เข้ากันแล้วหยอดตัวอย่างลงในหลุม (well) ปิดฝาและเปิดสวิทช์ electrophoresis gel tank ให้กระแสไฟฟ้าวิ่งจากขั้วลบไปขั้วบวก ด้วยความต่างศักย์ไฟฟ้า 100 โวลต์ เวลา 20 นาที แล้วจึงปิดสวิทช์ จากนั้นนำแผ่นเจลมาย้อมด้วย ethidium bromide 0.5-1 µg/ml ที่เตรียมไว้เป็นเวลาประมาณ 20 นาที และย้ายเจลมาล้างในน้ำสะอาดเป็นเวลาประมาณ 5 นาที จากนั้นนำแผ่นเจลไปตรวจดูแถบ ดีเอ็นเอภายใต้แสงอุลตราไวโอเล็ต และบันทึกภาพด้วยเครื่อง Gel documentation (SYNGRNE; Gene Genius Bio Imaging System)

## 6.2 การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอโดยเทคนิค PCR (Polymerase Chain Reaction)

ทำการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอที่ตำแหน่ง beta-tubulin (TBU2) gene ด้วย forward primer CTBF (5'-TCCAAGATCCGTGAGG-3') โดยจะ prime ที่ตำแหน่งนิวคลีโอไทด์ 1,150 ถึง 1,165 และ reverse primer CTBR (5'-AAGAAGTGGAGACGGG-3') จะ prime ที่ตำแหน่งนิวคลีโอไทด์ 1,475 ถึง 1,490 ของ beta-tubulin (TBU2) gene *C. gloeosporioides* f. sp. *aeschyromene* (Accession No. U14138) ที่รายงานไว้ในฐานข้อมูล GenBank (ภาคผนวก)

การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอประกอบด้วยสารละลายปริมาตรรวม 50 ไมโครลิตร ดังนี้

ส่วนประกอบ	ปริมาตร (ไมโครลิตร)	ความเข้มข้นสุดท้าย
น้ำกลั่นฆ่าเชื้อ (dH <sub>2</sub> O)	35	-
10 mM dNTPs (2.5 mM each)	5	0.25 mM
10X PCR buffer	5	1X
Primer CTBF (50 µM)	1	1 µM
Primer CTBR (50 µM)	1	1 µM
25 mM MgCl <sub>2</sub>	1	0.5 mM
Tag DNA polymerase (5Unit/µl)	1	0.1 Unit
ดีเอ็นเอต้นแบบ	1	10-100 ng

ผสมส่วนประกอบดังกล่าวให้เข้ากันแล้วนำเข้าเครื่อง programmable thermal controller, PTC-100™ (MJ Research) โดยมีเงื่อนไขในการทำปฏิกิริยาดังนี้

- |    |                      |  |                |
|----|----------------------|--|----------------|
| 1. | initial denaturation | ที่อุณหภูมิ 95 องศาเซลเซียส เวลา 2 นาที  | } จำนวน 40 รอบ |
| 2. | denaturation         | ที่อุณหภูมิ 94 องศาเซลเซียส เวลา 1 นาที  |                |
|    | annealing            | ที่อุณหภูมิ 57 องศาเซลเซียส เวลา 1 นาที  |                |
|    | extension            | ที่อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส เวลา 1 นาที  |                |
| 3. | final extension      | ที่อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส เวลา 10 นาที |                |

จากนั้นทำการตรวจวิเคราะห์ผลด้วยวิธี gel electrophoresis บน 1.5% agarose gel โดยนำผลผลิตจากการทำ PCR ปริมาตร 5 ไมโครลิตร ผสมกับ loading dye 2 ไมโครลิตร แล้วแยกขนาดของดีเอ็นเอบน 1.5% agarose gel electrophoresis ใน 1X TBE buffer ด้วยเครื่อง electrophoresis gel tank โดยใช้ความต่างศักย์ไฟฟ้า 100 โวลต์ เวลา 30 นาที จากนั้นนำแผ่นเจลมาย้อมด้วย ethidium bromide ที่เตรียมไว้เป็นเวลาประมาณ 20 นาที และย้ายเจลมาล้างในน้ำสะอาดเป็นเวลาประมาณ 5 นาที และนำแผ่นเจลไปตรวจดูแถบดีเอ็นเอภายใต้แสงอุลตราไวโอเล็ต และบันทึกภาพด้วยเครื่อง Gel documentation (SYNGRNE; Gene Genius Bio Imaging System)

### 6.3 วิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ (Sequencing)

ทำการวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ของดีเอ็นเอบริเวณ beta-tubulin (TBU2) gene จากผลผลิตของ PCR ข้างต้น โดยใช้ความเข้มข้นของ PCR product ในแต่ละตัวอย่างประมาณ 20 นาโนกรัมต่อ 25 ไมโครลิตร โดยใช้ความเข้มข้นของ primer CTBF และ CTBR อย่างละ 3.2 ไมโครโมล ต่อ 1 ไมโครลิตร และใช้ ABI Big Dye Terminator Cycle Sequencing Kit และอ่านด้วยเครื่อง ABI PRISM 3100 Genetic Analyzer

### 6.4 การศึกษาลำดับนิวคลีโอไทด์

นำข้อมูลลำดับนิวคลีโอไทด์ที่ได้มาศึกษาเปรียบเทียบกับความเหมือนกับข้อมูลลำดับเบสของ beta-tubulin (TBU2) gene ที่มีรายงานไว้ในฐานข้อมูล GeneBank ของ National Center for Biotechnology Information (NCBI), USA ด้วยโปรแกรม BLAST โดยเข้าไปที่ <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/Genbank> และเข้าไปในส่วนของ BLAST นำข้อมูลลำดับนิวคลีโอไทด์วางลงในโปรแกรม เลือก nucleotide blast เลือก nucleotide collection (nr/nt) และทำการ sequence alignment โดยเลือกที่ BLAST ขั้นตอนนี้จะได้ข้อมูลสำหรับการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ออกมา

จากนั้นทำการเลือกให้แสดงตำแหน่งของกรดอะมิโนเทียบกับข้อมูลของลำดับนิวคลีโอไทด์ โดยเลือก Reformat these Results เลือก CDS feature เลือก view report จะได้ข้อมูลของการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์พร้อมกับการเปรียบเทียบกรดอะมิโนควบคู่กัน นอกจากนี้ยังสามารถนำข้อมูลลำดับนิวคลีโอไทด์ที่ได้ไปทำการแปลรหัสเป็นกรดอะมิโนด้วยโปรแกรม ORF Finder (Open Reading Frame Finder) (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/gorf/gorf.html>) และนำข้อมูลลำดับกรดอะมิโน ที่ทำการแปลรหัสได้มาเปรียบเทียบกับข้อมูลของลำดับกรดอะมิโนที่มีรายงานไว้ในฐานข้อมูล GeneBank ของ NCBI ด้วยโปรแกรม BLAST ได้อีกเช่นกัน

#### 7. สถานที่ดำเนินการวิจัยและรวบรวมข้อมูล

7.1 ห้องปฏิบัติการวิจัยและเทคโนโลยีชีวภาพ ภาควิชาโรคพืช คณะเกษตรศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่

7.2 ห้องปฏิบัติการโครงการย้อมบัณฑิตศึกษา และวิจัยสาขาเทคโนโลยีชีวภาพเกษตร คณะเกษตรศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่

#### 8. ระยะเวลาทำการวิจัย

เดือนสิงหาคม 2548 – กรกฎาคม 2550

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่  
Copyright© by Chiang Mai University  
All rights reserved