

## บทที่ 1

### บทนำ

ข้าวเป็นพืชเศรษฐกิจที่สำคัญชนิดหนึ่งของประเทศไทย มีการส่งออกถึงปีละกว่า 3 ล้านตัน สร้างรายได้ถึง 40,000 ล้านบาท (กรมการค้าต่างประเทศ, 2548) ผลกระทบต่อผลผลิตอย่างหนึ่งคือ ปัญหาแมลงศัตรู แมลงศัตรูข้าวที่ร้ายแรงชนิดหนึ่งคือ แมลงบัว พบรอบภาคในประเทศไทยและเอเชียและเอเชียตะวันออกเฉียงใต้ ประเทศไทยพบการระบาดของแมลงบัวทั่วทุกภาค โดยเฉพาะเขตภาคเหนือ (Hidaka et al., 1974; Behura et al., 2000; Katiyar et al., 2000) พบมีการระบาดรุนแรงทำความเสียหายแก่ข้าวใน จังหวัดแพร่ จังหวัดน่าน จังหวัดเชียงราย จังหวัดเชียงใหม่ จังหวัดแม่ฮ่องสอน (พันธุ์วิภา และคณะ, 2548) โดยหนอนบัวจะกัดกินบริเวณที่เป็นเนื้อเยื่อเจริญภายใต้ต้นข้าว ทำให้เกิดเป็นหลอดลักษณะคล้ายหลอดหอย ต้นข้าวจะถูกทำลายจนมีอาการเคระแกร็น เดือด ลำต้นกุด เสียวเข้ม ยอดที่ถูกทำลายจะไม่สามารถให้ร่วงได้ ทำให้ผลผลิตของข้าวลดลงอย่างมาก สร้างความเสียหายถึง 60 - 100 เปอร์เซ็นต์ (โภวิท และทันงจิตร, 2507; วิเชียร, 2525; วีรบุรุษ, 2526) ทำให้รายได้ของเกษตรกรลดลง ซึ่งข้าวสายพันธุ์ทางเศรษฐกิจที่นิยมปลูก ไม่สามารถต้านทานต่อแมลงบัวได้ จากการศึกษาของจินตนาและคณะ (2539) โดยนำข้าวสายพันธุ์ที่ต้านทานต่อแมลงบัวคือ เมนยนอง 62 เอ็น ที่ปลูกในจังหวัดแพร่ จังหวัดน่าน จังหวัดกำแพงเพชร และจังหวัดราชบุรี มาทดสอบการเข้าทำลายของแมลงบัว พบรการเข้าทำลายของแมลงบัวในแต่ละพื้นที่รุนแรงต่างกัน

การวิเคราะห์และจำแนกหมวดหมู่ของแมลงซึ่งมีความสำคัญอย่างยิ่ง โดยทั่วไปการจำแนกหมวดหมู่ของแมลงใช้ลักษณะทางสัณฐานวิทยาเป็นสำคัญ ซึ่งสามารถใช้จำแนกแมลงได้ถึงระดับสปีชีส์ (species) แต่เป็นที่ทราบกันว่า แมลงในสปีชีส์เดียวกัน อาจไม่มีความแตกต่างกันทางสัณฐานวิทยา (Thongphak, 1999) ดังนั้นการจำแนกโดยลักษณะสัณฐานวิทยาจึงไม่สามารถกระทำได้ ปัจจุบันเทคนิคทางเคมีวิทยาได้ถูกพัฒนาถ้าวันนี้อย่างรวดเร็ว เทคนิคเหล่านี้จึงเข้ามายืนหนาทในการจำแนกสิ่งมีชีวิตชนิดต่างๆ มากขึ้นรวมทั้งแมลงด้วย เทคนิคที่เป็นที่นิยม คือ เทคนิค AFLP (Amplified fragment length polymorphism) เป็นเทคนิคหนึ่งที่มีประสิทธิภาพสูงสามารถใช้ศึกษาสิ่งมีชีวิตที่มีความผันแปรสูงได้ ทั้งภายในและระหว่างสปีชีส์ (Major et al., 1996) มีประโยชน์ในการจำแนกหมวดหมู่ อนุกรมวิธาน (taxonomy) พันธุศาสตร์ประชากร (population genetics) ตลอดจนการปรับปรุงพันธุ์ (breeding) (Weising et al., 1995) รวมทั้งช่วยในการจำแนกสายพันธุ์ที่เกิดการผ่าเหลา (mutation) ได้อีกด้วย (Kartiyan et al., 2000) และเทคนิค RAPD เป็น

เทคนิคที่ทำได้ง่าย ได้ผลอย่างรวดเร็ว ไม่จำเป็นต้องทราบการเรียงลำดับเบสกีเอ็นของสิ่งมีชีวิตที่จะนำมาศึกษา (สูรศักดิ์, 2540) โดยใช้หลักการที่ว่าดีเอ็นเอของสิ่งมีชีวิตแต่ละชนิดจะมีความแตกต่างกันในการเรียงลำดับของเบส โอกาสที่จะพบลำดับเบสที่เป็นคู่สมกับไพรเมอร์คือ 1 ใน  $4^{10}$  โดยประมาณ จึงสุ่มเอาตัววแทนบริเวณใดบริเวณหนึ่งบนสายดีเอ็นเอ มาเพิ่มปริมาณเช่นเดียวกับประสิทธิภาพในการศึกษากับแมลง (Hadrys *et al.*, 1992)

ดังนั้นการศึกษาลักษณะและความหลากหลาย รวมทั้งการจำแนกหมวดหมู่ของประชากรแมลงบัวในแต่ละพื้นที่ ทั้งทางด้านสัณฐานวิทยาและในพันธุศาสตร์ระดับโมเลกุล ผลที่ได้จะทำให้ทราบถึงความสัมพันธ์ในกลุ่มประชากรและความจำเพาะเจาะจงในแต่ละพื้นที่ อันเป็นแนวทางนำไปสู่การวิเคราะห์หาวิธีการควบคุมแมลง หรือการนำแมลงมาใช้ประโยชน์ได้อย่างมีประสิทธิภาพ รวมทั้งการป้องกันกำจัดและปรับปรุงสายพันธุ์ข้าวที่สามารถด้านทานต่อแมลงบัวแต่ละใบໄอไทยได้

### **วัตถุประสงค์ของการศึกษา**

1. เพื่อศึกษาลักษณะและความหลากหลายของประชากรบัวที่มีการระบาดในภาคเหนือของประเทศไทยโดยอาศัยลักษณะทางสัณฐานวิทยาและพันธุศาสตร์ระดับโมเลกุล
2. เพื่อศึกษาชีวอนิດและความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของกลุ่มประชากรบัว

**ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่**  
**Copyright<sup>©</sup> by Chiang Mai University**  
**All rights reserved**