

บทที่ 6

สรุปผลการทดลอง

1. การวิเคราะห์โปรตีนทั้งหมด

1.1 การวิเคราะห์โปรตีนโดย Bradford Method ในแต่ละส่วนของต้นน้ำ พบร้า โปรตีนในน้ำแต่ละพันธุ์ในส่วนใบอ่อนและใบเจริญเต็มที่มีปริมาณใกล้เคียงกัน และมีปริมาณมากพอสำหรับการทดลองวิเคราะห์ไฮโซไซม์

1.2 การเปรียบเทียบปริมาณ โปรตีน โดยวิธี SDS-PAGE พบร้า น้ำแต่ละพันธุ์นี้ โปรตีโนอยู่ในส่วนต่างๆ แตกต่างกันขึ้นกับความสามารถในการสร้างหรือการสะสมโปรตีนในเนื้อเยื่อนั้น

2. การศึกษาความสามารถสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของบัวอุบลราชติโดยใช้รูปแบบไฮโซไซม์

2.1 การคัดกรองไฮโซไซม์ที่เหมาะสม พบร้า เอนไซม์ที่สักดอกรมาได้แล้วนำไปขึ้นสี สามารถแบ่งออกได้เป็น 2 กลุ่ม คือกลุ่มที่ไม่ปรากวัสดุแลบสี ได้แก่ ALO, DIA, GLD, GDH, IDH, MDH, ME, SOD, ACP, ALP และ LAP และ กลุ่มที่ปรากวัสดุแลบสี ได้แก่ EST, SKD, GOT และ POX โดยแลบที่ปรากวัสดุในแต่ละระบบเอนไซม์นั้น มีรูปแบบแตกต่างกันในแต่พันธุ์ และสามารถนำไปใช้ในการจำแนกพันธุ์ได้แต่ไม่สามารถระบุความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมตามลักษณะทางสัณฐานที่ใช้แบ่งกลุ่มการทดลอง

2.2 การศึกษารูปแบบจำเพาะที่แสดงความสามารถสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของบัวอุบลราชติกลุ่มน้ำพัน บัวฟรัง และบัวสาย เมื่อเปรียบเทียบเอนไซม์ทั้ง 4 ระบบที่ปรากวัสดุแลบสี พบร้า น้ำแต่ละกลุ่มนี้ แอบร่วมที่อาจนำไปใช้เป็น marker ในการจำแนกกลุ่มได้ ดังนี้

- กลุ่มน้ำพัน: เอนไซม์ EST แอบร่วมมีค่า $R_f = 0.12, 0.13, 0.45, 0.5, 0.53$ และ 0.58

เอนไซม์ SKD แอบร่วมมีค่า $R_f = 0.4$ และ 0.42

เอนไซม์ GOT แอบร่วมมีค่า $R_f = 0.19, 0.22, 0.27$ และ 0.33

เอนไซม์ POX แอบร่วมมีค่า $R_f = 0.25, 0.28, 0.35, 0.37, 0.55$ และ 0.62

- กลุ่มน้ำฟรัง: เอนไซม์ EST แอบร่วมมีค่า $R_f = 0.5$ และ 0.58

เอนไซม์ GOT แอบร่วมมีค่า $R_f = 0.22, 0.3$ และ 0.33

เอนไซม์ POX แอบร่วมมีค่า $R_f = 0.22, 0.3, 0.33, 0.36, 0.58, 0.62$ และ 0.75

เอนไซม์ SKD ไม่ปรากวัสดุแลบที่เป็นแอบร่วมภัยในกลุ่มตัวอย่าง

- กลุ่มน้ำลาย: เอนไซม์ EST แคนร่วมนีค่า $Rf = 0.53, 0.6$ และ 0.63
เอนไซม์ SKD แคนร่วมนีค่า $Rf = 0.37$
เอนไซม์ GOT แคนร่วมนีค่า $Rf = 0.19$ และ 0.28
เอนไซม์ POX แคนร่วมนีค่า $Rf = 0.24, 0.4, 0.47, 0.51, 0.58$ และ 0.62



ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Copyright © by Chiang Mai University
All rights reserved