

ชื่อเรื่องวิทยานิพนธ์ สัมฐานวิทยาและรูปแบบไฮโซไซม์ของพีซสกุลรองเท้านารีของไทย

ชื่อผู้เขียน นายพสุ ศกุลอารีวัฒนา

วิทยาศาสตรมหาบัณฑิต (เกษตรศาสตร์) สาขาวิชาพืชสวน

คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์

ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร. พินพึง อากาศรุตม์
อาจารย์ ดร. วีณัน บันพติพย์
อาจารย์ ดร. ณัฐา ควรประเสริฐ

ประธานกรรมการ
กรรมการ
กรรมการ

บทคัดย่อ

การศึกษาลักษณะทางสัมฐานวิทยาของกล้าวยไม้รองเท้านารี 11 ชนิด พบว่ามีความแปรผันทางสัมฐานวิทยาสูงทั้งในชนิดเดียวกันและระหว่างชนิด ส่วนการศึกษาปัจจัยที่เหมาะสมสำหรับการทำให้เกิดรูปแบบไฮโซไซม์ของพีซสกุลนี้โดยวิธีโพลีคริลามิเดเจลอะลีกโกรโฟร์เซส พบว่า การใช้ใบอ่อน 0.5 กรัม กับน้ำยาสักด็ที่มีส่วนประกอบของ 0.1 M Tris-HCl pH 7, 1 mM EDTA, 1 % w/v PVP-360, 2 mM DTT, 10 mM β-mercaptoethanol และการใช้ separating gel 11% ให้ผลดีที่สุด และจากการวิเคราะห์เอนไซม์ 20 ระบบ พบว่ามีเอนไซม์ 14 ระบบ ไม่แสดงแถบสีให้เห็น (ACO, ACP, ADH, ALP, DIA, FDH, GDH, GLD, IDH, ME, POX, PGI, PGM และ URE) แต่มีเอนไซม์ 6 ระบบ แสดงรูปแบบไฮโซไซม์ที่แตกต่างกัน คือ EST, GOT, LAP, MDH, SKD และ SOD การใช้รูปแบบแถบสีของไฮโซไซม์จากเอนไซม์ทั้ง 6 ระบบ เพื่อจำแนกชนิดควรใช้มากกว่า 1 เอนไซม์ และพบว่าการวิเคราะห์เอนไซม์ทั้ง 6 ชนิดร่วมกันด้วย UPGMA cluster analysis โดยใช้โปรแกรม SPSS สามารถจัดกลุ่มรองเท้านารี 5 ต้นจากชนิดเดียวกันออกจากชนิดอื่นได้ ที่ค่าความแตกต่าง 17.5 % เมื่อใช้แถบสีทั้งหมดของไฮโซไซม์ที่เกิดขึ้นมาวิเคราะห์ร่วมกัน และหากใช้เพียงแถบสีหลักมาวิเคราะห์ร่วมกันสามารถจำแนกชนิดออกจากรากันได้ที่ค่าความแตกต่างเพียง 1 % แต่การวิเคราะห์ความใกล้ชิดทางพันธุกรรมในการศึกษานี้ไม่เป็นไปในทำนองเดียวกับการจำแนกทางอนุกรมวิธาน

Thesis Title Morphology and Isozyme Patterns of Thai Lady's Slipper (*Paphiopedilum*)

Author Mr. Pasu Skunareewattana

M.S. (Agriculture) Horticulture

Examining Committee

Assistant Professor Dr. Pimchai Apavatjrut	Chairman
Lecturer Dr. Weenun Bundithya	Member
Lecturer Dr. Nuttha Kuanprasert	Member

Abstract

A study on morphology in eleven Thai Lady's Slipper (*Paphiopedilum*) showed that Thai Lady's Slipper are highly variable in their characteristics, both within and between species. A series of study to find suitable factors for establishing isozyme patterns in this plant group showed that 0.1 M Tris-HCl pH 7, 1 mM EDTA, 1 % w/v PVP-360, 2 mM DTT, 10 mM β -mercaptoethanol and 11% separating gel are most suitable for polyacrylamide gel electrophoresis (PAGE). Fourteen enzyme systems (ACO, ACP, ADH, ALP, DIA, FDH, GDH, GLD, IDH, ME, POX, PGI, PGM and URE) out of the twenty enzyme systems analysed did not produce any isozyme pattern, whereas six systems (EST, GOT, LAP, MDH, SKD and SOD) produced polymorphic isozyme bands.

Using isozyme patterns from the six enzyme systems to identify a species, more than one enzyme should be used. When all the isozyme patterns from the six enzyme systems were analysed using UPGMA cluster analysis by SPSS, it is possible to group all the five clones within each species, and separately from other species at 17.5 % different distance when all the isozyme bands were analysed, but when only the major bands were used, each species could be separated at only 1 % distance. In this study, the analysis of the species genetic relationship did not show the same pattern as previously shown in taxonomic study elsewhere.